

بررسی چندشکلی ژن بتالاکتوگلوبولین گوسفند به روش PCR-RFLP

قربان الیاسی^۱، جلیل شجاع غیاث^۲، محمدرضا نصیری^۳، عبدالمنصور طهماسبی^۲
و ام‌البنین پیراهری^۴

چکیده

در برنامه‌های نوین اصلاح نژاد دام چند شکلی موجود در پروتئین‌های شسیر می‌تواند به عنوان نشانگر ژنتیکی به کار برده شود. بتالاکتوگلوبولین پروتئین اصلی بخش آب‌پنیر شیر نشخوارکنندگان می‌باشد که ژن کدکننده آن روی کروموزوم ۳ گوسفند تعیین نقشه شده است. این پروتئین در طی دوره‌های آبستنی و شیردهی در غدد پستان ساخته می‌شود. مطالعات نشان داده که این پروتئین در اکثر نژادهای گوسفند دارای چند شکلی است و دلیل آن جانشینی ساده یک باز در ژن *BLG* می‌باشد که با انجام برش آنزیمی توسط *RsaI* تشخیص داده می‌شود.

هدف از این پژوهش بررسی توزیع ژنوتیپی ژن *BLG* در گوسفندان بومی است. در این تحقیق نمونه‌های خون از ۱۴۲ رأس گوسفند (فزل، افشاری، مغانی، ماکوئی و آرخارمرینو) جمع‌آوری گردید. *DNA* ژنومی از ۲۰۰ میکرولیتر خون با روش بوم و همکاران (۱۹۸۹) که توسط شیخایف (۱۹۹۵) تغییراتی در آن داده شده بود استخراج گردید. تکثیر ناحیه پلی‌مورفیک ژن بتالاکتوگلوبولین به طول ۴۵۲ جفت باز از اگزون II با آغازگرهای *BLG* و *BLG* صورت گرفت. برای مشاهده محصولات *PCR* از ژل آگارز ۱٪ با رنگ‌آمیزی اتیدایوم بروماید استفاده گردید. برای برش آنزیمی قطعات *DNA* تکثیر شده، از آنزیم *RsaI* استفاده شد. محصولات هضم شده، بر روی ژل پلی‌آکریلامید ۸٪ الکتروفورز شده و با اتیدایوم بروماید رنگ‌آمیزی گردید. فراوانی ژنوتیپ‌ها، آلل‌ها، تعادل هاردی-واینبرگ و دندروگرام فواصل ژنتیکی با استفاده از نرم‌افزار *PopGen32* محاسبه گردید. فراوانی آلل A در نژاد فزل ۵۶٪، نژاد آرخارمرینو ۴۸٪، نژاد ماکویی ۵۳٪، نژاد مغانی ۳۶٪ و نژاد افشاری ۳۴٪ به دست آمد. به غیر از نژاد افشاری سایر جمعیت‌های مورد بررسی در تعادل هاردی-واینبرگ بودند. کمترین فاصله ژنتیکی بین نژادهای مغانی و افشاری و بیشترین آن بین نژادهای فزل و افشاری به دست آمد و در نهایت به نظر می‌رسد که *PCR-RFLP* یک روش مناسب برای تعیین ژنوتیپ و بررسی تنوع ژنتیکی در دام باشد.

واژه‌های کلیدی: بتالاکتوگلوبولین، گوسفند، چندشکلی، *PCR-RFLP*

۱. مربی پژوهش علوم دامی، مرکز تحقیقات جهاد کشاورزی، استان آذربایجان شرقی
۲. به ترتیب دانشیار و استادیار علوم دامی، دانشکده کشاورزی، دانشگاه تبریز
۳. استادیار علوم دامی، دانشکده کشاورزی، دانشگاه فردوسی مشهد
۴. کارشناس ارشد علوم دامی، دانشکده کشاورزی، دانشگاه زنجان

مقدمه

تصادفی از مناطق مختلف پرورش انتخاب شده بودند، جمع‌آوری شد. برای جلوگیری از انعقاد خون به میزان ۰/۱ حجم نمونه خون اخذ شده، محلول EDTA (۰/۵ مولار با PH ۸) به لوله‌های حاوی خون افزوده شد. استخراج DNA از ۲۰۰ میکرولیتر خون با متد سیلیکاژل و با روش بوم و همکاران (۳) که توسط شیخایف (۱۰) تغییراتی در آن داده شده بود انجام گرفت. در این روش نخست سلول‌های خونی با استفاده از مواد شیمیایی لیز شده و سپس ذرات بسیار ریز شیشه که DNA را به خود جذب می‌کند به محلول اضافه شد. پس از سانتیفریژ به غیر از رسوب تشکیل شده که حاوی DNA می‌باشد بقیه مواد دور ریخته شد و در مرحله آخر DNA خالص‌سازی گردید. به منظور تعیین کیفیت و کمیت DNA از روش‌های الکتروفورز و اسپکتروفوتومتری استفاده شد. برای تکثیر ژن بتالاکتوگلوبولین گوسفند آغازگرهای BLG₅ و BLG₃ با توالی زیر مورد استفاده قرار گرفت.

BLG3 (5'-TTGGGTTTCAGTGTGAGTCTGG-3')

BLG5 (5'-AAAAGCCCTGGGTGGGCAAC-3')

واکنش زنجیره‌ای پلیمرز با ۳۵ چرخه (۹۴°C به مدت ۵۰ ثانیه برای واسرشته کردن) (Denaturation) ۶۵°C به مدت ۳۰ ثانیه برای اتصال (Annealing) ۷۲°C به مدت ۴۰ ثانیه برای امتداد (Extension) زنجیره DNA در دستگاه ترموسایکلر (Thermocycler) مدل UNIOII شرکت بیومترا (Biometra) و در حجم‌های ۲۵ میکرولیتری واکنش زنجیره‌ای پلیمرز (۲/۵ میکرولیتر بافر PCR، ۱/۵ میکرولیتر MgCl₂، ۲/۵ میکرولیتر مخلوط dNTPS، ۲ میکرولیتر مخلوط آغازگرها (۱۰ پیکومول از هر آغازگر)، ۰/۳ میکرولیتر Taq DNA Polymerase (۵U/μl) استخراج شده و ۱۱/۲ میکرولیتر آب دو بار تقطیر) صورت گرفت که آغازگرهای مورد استفاده برای تکثیر یک قطعه ۴۵۲ جفت بازی از اگزون II ژن بتالاکتوگلوبولین گوسفند طراحی شده بودند (۵). به منظور تشخیص محصولات PCR از ژل آگارز ۱٪ با رنگ‌آمیزی اتیدیوم بروماید استفاده گردید. برای تعیین ژنوتیپ‌های ژن بتالاکتوگلوبولین، برش آنزیمی محصولات

چند شکلی‌های موجود در پروتئین‌های شیر می‌تواند به عنوان نشانگر ژنتیکی به کار برده شود. بتالاکتوگلوبولین (B-Lactoglobulin) پروتئین اصلی بخش آب‌پنیر شیر نشخوارکنندگان است. تحقیقات نشان داده که این پروتئین در بسیاری از نژادها دارای چندشکلی است. آلل B ژن بتالاکتوگلوبولین با تولید بالای شیر در ارتباط است (۲) و در عوض آلل A بازده تولید پنیر را افزایش می‌دهد. به نظر می‌رسد که ژنوتیپ BB بتالاکتوگلوبولین با تولید بالای شیر و ژنوتیپ‌های AA و AB با میزان بالای کازئین و پروتئین در شیر همراه هستند (۶). آلل A و B در اسیدآمین شماره ۲۰ با همدیگر اختلاف دارند (۷) که این ویژگی در نتیجه جانشینی ساده یک باز در ژن بتالاکتوگلوبولین می‌باشد. اطلاعات حاصل از تعیین توالی (Sequencing) نشان داده که یک محل برشی آنزیم RsaI در آلل A وجود دارد که در آلل B موجود نیست. در محل اسید آمین شماره ۲۰ در آلل A تیروزین (Tyr) قرار دارد که با کدون TAC کد می‌شود در صورتی که در آلل B در همان ناحیه کدون CAC قرار گرفته که مسئول کد کردن اسید آمین هیستیدین (His) است که می‌تواند توسط تکنیک (Restriction Fragment Length Polymorphism RFLP) و با استفاده از آنزیم RsaI تشخیص داده شود. علی و همکاران (۱) توالی آلل‌های A و B را مقایسه کردند و از آن زمان واکنش زنجیره‌ای پلیمرز (Polymerase Chain Reaction) (۹) برای تکثیر ناحیه چند شکل این ژن استفاده شد. هدف از این پژوهش بررسی واریانت‌های A و B و هم‌چنین ژنوتیپ‌های به دست آمده ژن بتالاکتوگلوبولین در نژادهای ایرانی گوسفند با روش PCR-RFLP می‌باشد.

مواد و روش‌ها

تعداد ۱۴۲ نمونه خون از نژادهای گوسفند مورد مطالعه شامل ۳۲ رأس نژاد قزل، ۳۰ رأس نژاد ماکوئی، ۲۹ رأس نژاد مغانی، ۲۹ رأس نژاد افشاری و ۲۱ رأس نژاد آرخارمرینو که به طور

مورد آزمایش دارای چند شکلی بوده و هر سه ژنوتیپ حاصل از ۲ واریانت قابل مشاهده است و انجام PCR-RFLP با آنزیم RsaI روش مناسبی برای انتخاب ژنوتیپ‌های مختلف گوسفند در راستای اصلاح نژاد بر اساس ژن بتالاکتوگلوبولین بوده و RsaI آنزیمی اختصاصی بسیار کارآمد برای تشخیص این ژن در نژادهای گوسفند می‌باشد.

فراوانی ژنوتیپ‌ها و آلل‌های ژن بتالاکتوگلوبولین در جدول ۱ آورده شده است. در تمام نژادها فراوانی ژنوتیپ هتروزیگوت بیشتر از ژنوتیپ‌های هموزیگوت می‌باشد که با نتایج به دست آمده از تحقیقات ولتکا و همکاران (۱۱) و اکثر پژوهش‌های انجام شده مطابقت دارد و در ضمن نژادهای آرخارمرینو و ماکوئی از تنوع ژنتیکی بیشتری نسبت به سایر نژادها برخوردار هستند. حداقل فراوانی ژنوتیپ AA در نژاد افشاری و حداکثر آن در نژاد قزل به دست آمد. حداقل فراوانی ژنوتیپ BB در نژاد قزل و حداکثر آن در نژاد مغانی برآورد شد. ریکو و همکاران (۸) در گوسفند مرینو فراوانی ۰/۵۸ را برای آلل A و ۰/۴۱ را برای آلل B گزارش کردند. این محققان در نژاد ماسز (Massese) فراوانی ۰/۵۳ را برای آلل A و ۰/۴۷ را برای آلل B گزارش نمودند. دی‌استاسیو (۴) در نژاد وال‌دل‌بلیس (Valle del belice) فراوانی ۰/۳۵ را برای آلل A و ۰/۶۵ را برای آلل B به دست آورد. به غیر از نژاد افشاری سایر نژادهای مورد مطالعه از تعادل هاردی-واینبرگ برخوردار بودند که می‌تواند بر بر عدم انجام تلاقی‌های خویشاوندی و گزینش مصنوعی در راستای ژن بتالاکتوگلوبولین دلالت داشته باشد. احتمال داده شد که عدم وجود تعادل هاردی-واینبرگ در مورد نژاد افشاری، در اثر یکی بودن منشأ گوسفندان نمونه‌برداری شده باشد که به طور ناخواسته باعث انجام تلاقی‌های جهت‌دار گشته است که پس از ریشه‌یابی مسأله این امر محرز شد.

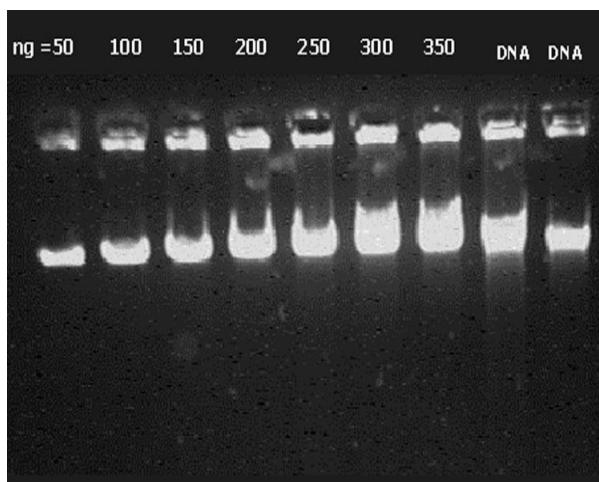
با توجه به گزارش‌های موجود در ارتباط ژن بتالاکتوگلوبولین با صفات تولیدی، انتظار می‌رود که شیر تولید شده توسط نژاد قزل به علت بالا بودن فراوانی آلل A کارایی

PCR با استفاده از آنزیم محدودگر RsaI شرکت Fermentase به مدت ۳ ساعت در دمای ۳۷°C انجام گرفت که در تیوب‌های واکنش مقدار ۸ میکرولیتر محصول PCR، مقدار ۱/۵ میکرولیتر بافر ۱۰X، ۱/۵ میکرولیتر آنزیم برشی (۲u/μl) و ۴ میکرولیتر آب مقطر افزوده شد. محصولات هضم شده واکنش زنجیره‌ای پلیمرز بر روی ژل پلی‌آکرلامید ۸٪ الکتروفورز شده و با اتیدیوم بروماید رنگ‌آمیزی شدند. نرم افزار PopGen32 برای برآورد فراوانی آلل‌ها، ژنوتیپ‌ها، تعادل هاردی-واینبرگ (Hardy-Waenberg) و ترسیم دندروگرام (Dendrogram) فواصل ژنتیکی بین نژادها به کار برده شد.

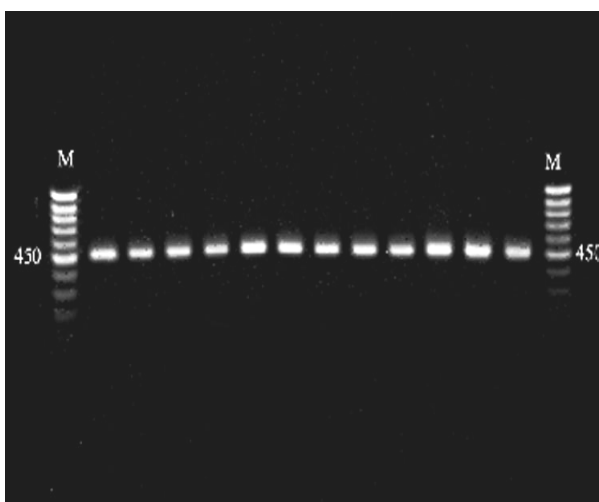
نتایج و بحث

استخراج DNA با روش سیلیکاژل مقادیر بالای DNA ژنومی (حدود ۵۰ ng/μl) با طولی در حدود ۵۰ الی ۶۰ هزار جفت باز حاصل کرد که در کنار DNA λ به راحتی قابل ارزیابی می‌باشد (شکل ۱-الف) و به نظر می‌رسد که اندازه این مولکول‌ها به علت داشتن طول زیاد و خلوص بالا، جهت کارهای مهندسی ژنتیک و آزمایش‌های مولکولی بسیار مناسب باشد. نتیجه واکنش زنجیره‌ای پلیمرز در شکل ۱-ب نشان داده شده است. همان طوری که انتظار می‌رفت یک قطعه ۴۵۲ جفت بازی از ژن بتالاکتوگلوبولین شامل قسمتی از اینترون ۱، بخشی از آگزون ۲ و ناحیه‌ای از اینترون ۲ تکثیر شده است که برای تشخیص از مارکر ۱۰۰ جفت بازی استفاده شده است. مقایسه باندهای موجود در نمونه‌های هضم شده محصولات PCR با مارکر PUC19 نشان داد قطعات موجود بر روی ژل پلی‌آکرلامید با آنچه که از روی ترادف DNA ژن بتالاکتوگلوبولین برای ژنوتیپ‌های مختلف پیش‌بینی می‌شد یکسان می‌باشد (شکل ۱-ج). در ژنوتیپ AA باندهای ۱۷۵، ۱۷۰، ۶۶ و ۴۱ جفت بازی وجود دارد در صورتی که در ژنوتیپ BB سه باند ۲۳۶، ۱۷۵ و ۴۱ جفت بازی و در ژنوتیپ هتروزیگوت همه باندها قابل مشاهده هستند. نتیجه حاصل از این پژوهش نشان داد که ژن بتالاکتوگلوبولین در تمام نژادهای

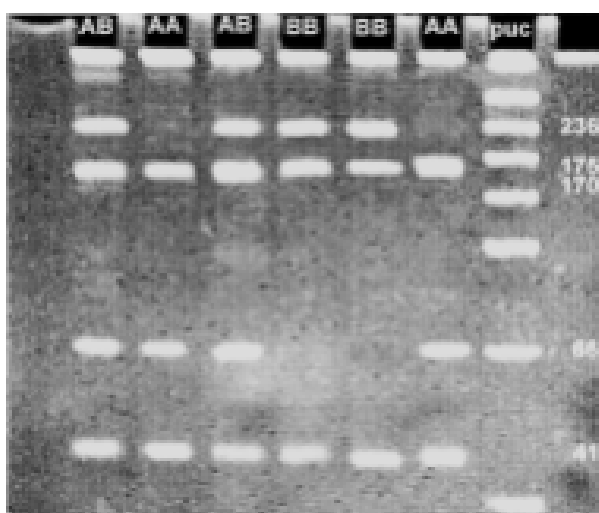
(الف)



(ب)



(ج)



شکل ۱. الف) استخراج DNA به روش سلیکاژل و مقایسه آن با λ DNA (دو نمونه سمت راست، DNA مورد آزمایش و بقیه ستون‌ها مقادیر مختلفی از λ DNA می‌باشند). ب) تکثیر قطعه ۴۵۲ جفت بازی از ژن بتالاکتوگلوبولین نمونه‌های مختلف در کنار مارکر PUC19 (ج) برش آنزیمی محصولات PCR و تعیین ژنوتیپ دام در کنار مارکر PUC19

جدول ۱. تعداد ژنوتیپ‌ها، فراوانی ژنوتیپ‌ها، فراوانی آلل‌ها و آزمون χ^2 برای نژادهای مورد بررسی

| χ^2 | فراوانی آلل | | فراوانی ژنوتیپ | | | تعداد ژنوتیپ | | | نژاد مورد مطالعه |
|----------|-------------|------|----------------|------|------|--------------|----|----|------------------|
| | B | A | BB | AB | AA | BB | AB | AA | |
| ۰/۰۰۰ | ۰/۴۴ | ۰/۵۶ | ۰/۱۹ | ۰/۵۰ | ۰/۳۱ | ۶ | ۱۶ | ۱۰ | قزل |
| ۰/۳۰۸ | ۰/۵۲ | ۰/۴۸ | ۰/۲۴ | ۰/۵۷ | ۰/۱۹ | ۲۵ | ۱ | ۴ | آرخارمینو |
| ۰/۰۸۹ | ۰/۴۷ | ۰/۵۳ | ۰/۲۰ | ۰/۵۳ | ۰/۲۷ | ۶ | ۱۸ | ۸ | ماکویی |
| ۰/۰۶۵ | ۰/۶۴ | ۰/۳۶ | ۰/۴۱ | ۰/۴۵ | ۰/۱۴ | ۱۲ | ۱۳ | ۴ | مغانی |
| ۳/۷۰۸* | ۰/۶۵ | ۰/۳۴ | ۰/۳۵ | ۰/۶۲ | ۰/۰۳ | ۱۰ | ۱۸ | ۱ | افشاری |

سپاسگزاری

بدین وسیله از اساتید گرامی دانشکده کشاورزی دانشگاه تبریز، پرسنل محترم مجتمع آزمایشگاهی این دانشکده و عزیزانی که از جهاد کشاورزی استان آذربایجان شرقی ما را در انجام این تحقیق یاری نمودند تقدیر و تشکر می‌گردد.

بیشتری برای پنی‌سازی داشته باشد و پنی‌ر بیشتری هم تولید نماید که علی‌رغم نبود اطلاعات علمی، به صورت تجربی کاملاً صحیح است. زیرا پنی‌ر معروف لیکوان که از کیفیت بالایی برخوردار است از شیر این نژاد تهیه می‌شود. به علت بالا بودن فراوانی آلل B در نژادهای مغانی و افشاری تولید بالای شیر و درصد بالای پروتئین‌های آب پنی‌ر و کازئین در شیر این نژادها مورد انتظار است.

منابع مورد استفاده

1. Ali, S., M., J. P. McGlenaghan, A. Simons and J. Clark. 1990. Characterization of the alleles encoding ovine Beta-Lactoglobulin A and B. *Gene*. 91: 202-207.
2. Bolla, P., A. Caroli, A. Mezzelani, R. Rizzi, G. Pagnacco, A. Fraghi and S. Casu 1989. Milk protein markers and production in sheep. *Anim. Genet.* 20: (Suppl. 1)- 78.
3. Boom, R., C. J. A. Sol, M. M. M. Salimans, C.L. Jansen, P. M. E. Wertheim-Van Dillen and J. Van Der Noordaa. 1990. Rapid and simple method for purification of nucleic acids. *J. Clinical Microbiol.* 28(3) : 495-503.
4. Di Stasio, I. B. Portolano, M. Todaro, P. Fiandra, P. Giaccone, R. Finocchiaro and M. L. Alicata. 1997. Effect of ovine β -lactoglobulin phenotype on cheese yield and composition. pp. 324-327. *In: Milk Protein Polymorphism*. Brussels, Belgium: International Dairy Federation.
5. Eignatev. 1998. Genetic polymorphisms of milk proteins in Russian sheep breeds and crosses. Ph.D. Thesis, Moscow University, Russia.
6. Garzon, A. I. and J. Martinez. 1992. Beta-Lactoglobulin in Manchega sheep breed: Relationship with milk technological index in handcraft manufacture of manchego cheese. XXIII. Int. Conf. Anim. Genet. Interlaken.
7. Kolde, H. J. and G. Braunitzer. 1983. The primary structure of ovine Beta-Lactoglobulin. *Milckwissenschaft*. 38: 70-72.
8. Recio, I., A. Fernandez-Fournier, P. J. Martin-Alvarez and M. Ramos. 1997. B-lactoglobulin polymorphism in ovine breeds: Influence of cheese making properties and milk composition. *Lait*. 77: 259-265.
9. Saiki, R. K., D. H. Gelfand, S. Stoffel, S. J. Schare, R. Higuchi, G. T. Horn, K. B. Mullis and H. A. Erlich. 1988. Primer-directed enzymatic amplification of DNA with a thermostable DNA polymerase. *Sci*. 239: 487-491.
10. Shaikhayev, G.O. 1995. Extraction of DNA From the Whole Blood by Silica Gel. *Inc. Gene Biology*. Moscow.
11. Vlatka, C. C., M. Feligini, J. Lukac-Havranek, I. Curik and E. Guisepe. 2002. Genetic polymorphism of Beta-Lactoglobulin in native sheep from the Island of Pag. *Food Technol. Biotechnol.* 40: 75-78